



4005-3. EL POLIMORFISMO GENÉTICO TNFALPHA-308 (RS1800629) SE ASOCIA CON UN MAYOR RIESGO DE ENFERMEDAD CARDIOVASCULAR EN PACIENTES CON ARTRITIS REUMATOIDE

Carlos González-Juanatey, Ana Testa-Fernández, Ruth Pérez-Fernández, Ramón Ríos-Vázquez, Raúl Franco-Gutiérrez, Juan Sieira Rodríguez-Moret, Luis Rodríguez-Rodríguez y Miguel A González-Gay del Hospital Universitario Lucus Augusti, Lugo, Hospital Clínico San Carlos, Madrid y Hospital Universitario Marqués de Valdecilla, Santander (Cantabria).

Resumen

Antecedentes y Objetivos: La artritis reumatoide (AR) es una enfermedad inflamatoria crónica asociada a un alto riesgo de enfermedad cardiovascular en relación con un proceso de aterosclerosis acelerada. El factor de necrosis tumoral (TNF)-alpha es una citocina proinflamatoria directamente implicada en la patogénesis de la AR y de la enfermedad aterosclerótica. El objetivo de nuestro estudio fue estudiar la influencia del polimorfismo genético TNFalpha rs1800629 (G > A) en el desarrollo de eventos cardiovasculares en la AR.

Métodos: Estudiamos de forma consecutiva a 587 pacientes diagnosticados de AR por criterios ACR 1987 durante el período marzo-1996 a marzo-2008. Se realizó un estudio de genotipado para el polimorfismo TNFalpha rs1800629 y un análisis del genotipo HLA-DRB1 mediante métodos de biología molecular. Se procedió a un análisis de los eventos cardiovasculares y de la mortalidad a diciembre-2009.

Resultados: Los pacientes con eventos cardiovasculares en el seguimiento fueron con mayor frecuencia portadores del alelo A frente a los pacientes sin eventos (37,6% con eventos vs 27,9% sin eventos; $p = 0,06$, OR 1,56, IC95% 0,95-2,54). Los pacientes portadores del alelo A presentaron una mayor tasa de eventos cardiovasculares en el seguimiento tras ajustar por características clínicas y factores de riesgo cardiovascular clásicos ($p = 0,02$, HR 1,72, IC95% 1,07-2,74). Además se observó una correlación significativa entre este polimorfismo y la presencia del epítipo compartido ($p = 0,02$). La asociación entre el alelo A y los eventos cardiovasculares estuvo solo presente en los pacientes portadores del epítipo compartido tras ajustar por factores de riesgo cardiovascular clásicos ($p = 0,001$, HR 2,43, IC95% 1,41-4,19).

Conclusiones: Nuestros resultados demuestran que el polimorfismo genético TNFalpha rs1800629 se asocia con la predisposición al desarrollo de complicaciones cardiovasculares en pacientes con AR. Esta predisposición se limita a los pacientes portadores de epítipo compartido.