



5027-2. CORRELACIÓN DE LA MICROBIOTA INTESTINAL Y LOS PARÁMETROS NUTRICIONALES EN PACIENTES CON INSUFICIENCIA CARDIACA

Daniel García Fuertes¹, Aurora Luque Moreno¹, Elena Villanueva Fernández¹, José Carlos Fernández Camacho¹, Francisco José Castillo Bernal¹, Ana Cosmen Sánchez¹, Juan Gómez de Oña², Elías Cuesta Llavona², Claudio Hidalgo Cantabrana³ y Noelia Martínez Álvarez³

¹Hospital Santa Bárbara, Puertollano (Ciudad Real), ²Hospital Universitario Central de Asturias, Oviedo (Asturias) y ³Microviable Therapeutics SL, Gijón (Asturias).

Resumen

Introducción y objetivos: La desnutrición, valorada mediante parámetros como la albúmina o la prealbúmina, ha demostrado ser un factor pronóstico adverso en pacientes con insuficiencia cardiaca (IC). Nuestro objetivo fue evaluar la correlación de los componentes del microbioma intestinal con los niveles de albúmina y prealbúmina.

Métodos: Se incluyeron pacientes con IC que habían presentado un ingreso previo o presentaban cifras marcadamente elevadas de NTproBNP. Se realizó análisis de la microbiota intestinal mediante secuenciación metagenómica basada en RNA 16s ribosomal. Se analizó la correlación de las unidades taxonómicas a nivel de *Phylum*, familia y género con los niveles de albúmina y prealbúmina. Se consideraron únicamente aquellas unidades taxonómicas con una abundancia relativa media mayor del 0,1%.

Resultados: Se incluyeron 49 pacientes (edad media $69 \pm 10,8$ años; 63% varones, 59% FEVI 40%). A nivel de *phylum* no se encontraron correlaciones significativas. Las familias *Prevotellaceae* y *Veillonellaceae* mostraron una correlación directa con los niveles de prealbúmina ($R = 0,332$; $p = 0,021$ y $R = 0,355$; $p = 0,013$), mientras que la familia *Bifidobacteriaceae* mostró una correlación directa tanto con los niveles de albúmina ($R = 0,386$; $p = 0,006$) como prealbúmina ($R = 0,300$, $p = 0,038$). *Tannerellaceae* mostró una relación inversa tanto con los niveles de albúmina ($R = -0,348$; $p = 0,014$) como de prealbúmina ($R = -0,342$; $p = 0,017$). A nivel de género, *Roseburia* ($R = 0,291$; $p = 0,042$), grupo *Eubacterium eligens* ($R = 0,341$; $p = 0,017$), *Anaerostipes* ($R = 0,295$; $p = 0,040$) y *Dorea* ($R = 0,291$; $p = 0,038$) mostraron una correlación positiva con los niveles de albúmina y *Dialister* con los de prealbúmina ($R = 0,374$, $p = 0,009$). *Bifidobacterium* mostró correlación directa tanto con niveles de albúmina ($R = 0,384$; $p = 0,007$) como prealbúmina ($R = 0,296$; $p = 0,041$). Por el contrario, el *genus parabacteroides* mostró una correlación inversa tanto con la albúmina ($R = -0,327$, $p = 0,022$) como prealbúmina ($R = -0,328$; $p = 0,023$).

Conclusiones: En nuestra serie la presencia de una mayor abundancia relativa de distintos componentes del microbioma intestinal a los que se le atribuyen efectos beneficiosos como *bifidobacterium*, *dialister* o la familia *Prevotellaceae*, y géneros productores de butirato como *Roseburia*, *Dorea* o *Eubacterium*, se relacionó con mayores niveles de albúmina y prealbúmina.