



## 4005-6. FACTOR DE CRECIMIENTO ENDOTELIAL VASCULAR Y ENFERMEDAD CARDIOVASCULAR EN LA ARTRITIS REUMATOIDE

Carlos González-Juanatey, Luis Rodríguez-Rodríguez, Miguel A. González-Gay, Ana Testa-Fernández, Ruth Pérez-Fernández, Margarita Regueiro-Abel, Ramón Ríos-Vázquez y Víctor Puebla-Rojo del Hospital Universitario Lucus Augusti, Lugo, Hospital Clínico San Carlos, Madrid y Hospital Universitario Marqués de Valdecilla, Santander (Cantabria).

### Resumen

**Antecedentes y Objetivos:** La artritis reumatoide (AR) es una enfermedad inflamatoria crónica asociada a un alto riesgo de enfermedad cardiovascular. El objetivo de nuestro estudio fue estudiar la influencia de los polimorfismos genéticos del factor de crecimiento endotelial vascular A (VEGFA) rs2010963 (-634 G > C) y rs1570360 (-1154 G > A) en el desarrollo de eventos cardiovasculares en la AR.

**Métodos:** Estudiamos de forma consecutiva a 661 pacientes diagnosticados de AR por criterios ACR 1987 durante el período marzo-1996 a marzo-2008. Se realizó un estudio de genotipado para los polimorfismos del VEGFA rs2010963 (-634 G > C) y rs1570360 (-1154 G > A) y un análisis del genotipo HLA-DRB1 mediante métodos de biología molecular. Se procedió a un análisis de los eventos cardiovasculares y de la mortalidad a diciembre-2009. Además en un subgrupo de pacientes sin eventos cardiovasculares previos se valoró la aterosclerosis subclínica mediante el análisis de la función endotelial (n = 126) y del espesor íntima-media carotídeo (n = 105) realizando un estudio ecográfico de alta resolución de la arteria braquial y la arteria carótida común respectivamente.

**Resultados:** No se encontró una asociación significativa entre los polimorfismos del VEGFA rs2010963 (-634 G > C) y rs1570360 (-1154 G > A) y el desarrollo de eventos cardiovasculares en el seguimiento (rs2010963, p = 0,54, rs1570360, p = 0,11) o la presencia de aterosclerosis subclínica tras ajustar por factores de riesgo cardiovascular clásicos en los pacientes con AR.

**Conclusiones:** Nuestros resultados demuestran que los polimorfismos genéticos del VEGFA rs2010963 (-634 G > C) y rs1570360 (-1154 G > A) no se asocian con el desarrollo de complicaciones cardiovasculares ni con la presencia de aterosclerosis subclínica en los pacientes con AR.