



6024-284. CARACTERIZACIÓN DE LOS MICRO-RNA IMPLICADOS EN EL INFARTO AGUDO DE MIOCARDIO SOMETIDO A ANGIOPLASTIA PRIMARIA

Agustín Guisado Rasco¹, Ignacio Díaz Carrasco², Antonio Ordoñez Fernández¹, Manuel Jiménez Navaro³, José Ángel Urbano Moral¹, M. Pilar Serrano Gotarredona¹, Mónica Fernández Quero¹ y Manuel Villa Gil-Ortega¹ del ¹Hospital Universitario Virgen del Rocío, Sevilla, ²Instituto de Investigación Biomédica de Sevilla y ³Hospital Clínico Universitario Virgen de la Victoria, Málaga.

Resumen

Introducción y objetivos: Los micro-RNA se están estudiando como marcadores diagnósticos en el infarto agudo de miocardio (IAM), pero también como posibles dianas terapéuticas para intentar reducir el daño por perfusión y el remodelado ventricular posterior. El objetivo fue identificar qué micro-RNA se liberan durante la fase aguda del IAM sometido a angioplastia primaria.

Métodos: Estudio prospectivo realizado en 8 pacientes con IAM anterior de 2-6 horas de evolución sometido a angioplastia primaria con flujo TIMI 0 al inicio del procedimiento, frente a 8 controles sometidos a cateterismo por dolor torácico sin lesiones coronarias. Se compararon mediante un *array* de expresión los valores de 384 micro-RNA obtenidos a las 3 horas de la apertura del vaso en los 8 pacientes frente a 3 de los 8 controles. De este análisis junto con la bibliografía se seleccionaron 20 micro-RNA que se analizaron en las muestras obtenidas al inicio del cateterismo y 3, 12 y 24 horas tras la apertura de la arteria, así como en los 8 controles.

Resultados: Obtuvimos diferencias significativas con respecto a la variable tiempo en las muestras de los pacientes (basal, 3, 12 y 24 horas) en los siguientes micro-RNA: miR-1 ($p = 0,013$), miR-21 ($p = 0,03$), miR-133a ($p = 0,001$), miR-133b ($p = 0,002$), miR-193b ($p = 0,006$), miR-320 ($p = 0,048$), miR-339-5p ($p = 0,019$), miR-423-5p ($p = 0,004$) y miR-499 ($p = 0,000$). Además, los valores obtenidos a las 3 o 12 horas estaban significativamente aumentados con respecto a los controles en el caso de miR-133a ($p = 0,000$), miR-133b ($p = 0,002$), miR-193b ($p = 0,003$), miR-320 ($p = 0,023$), miR-339-3p ($p = 0,036$), miR-423-5p ($p = 0,034$) y miR-499 ($p = 0,000$), estando reducidos frente a los controles miR-29b ($p = 0,023$), miR-522 ($p = 0,027$) y miR-545 ($p = 0,027$). Se observaron valores mayores de miR-320 en los pacientes que desarrollaron remodelado a los 6 meses ($p = 0,035$).

Conclusiones: Encontramos niveles aumentados en el IAM de varios micro-RNA ya descritos en la literatura: miR-1, miR-21, miR-133a, miR-133b, miR-320, miR-423-5p y miR-499, así como 2 no descritos: miR-193b y miR-339-5p. Observamos diferencias significativas con respecto a los controles, aunque sin desarrollo de curva evolutiva en los niveles de miR-339-3p, miR-29b, miR-522 y miR-545. Detectamos valores significativamente mayores de miR-320 en los pacientes que desarrollaron remodelado ventricular a los 6 meses.