



6043-619. POLIMORFISMOS EN LOS GENES DEL RECEPTOR FC DE LA IGG RELACIONADOS CON EL RECHAZO MEDIADO POR ANTICUERPOS TRAS EL TRASPLANTE CARDIACO

Grecia Marrón-Liñares¹, Lucía Núñez¹, Eloy Álvarez-López¹, María G. Crespo-Leiro², Eduardo Barge-Caballero², Javier Muñiz-García², Carmela D. Tan³, E. Rene Rodríguez³, José Manuel Vázquez-Rodríguez² y Manuel Hermida-Prieto¹, del ¹Instituto de Investigación Biomédica A Coruña (INIBIC), A Coruña, ²Complejo Hospitalario Universitario de A Coruña, A Coruña y ³The Cleveland Clinic, Ohio (EE.UU.).

Resumen

Introducción y objetivos: El trasplante cardiaco (TxC) es una alternativa eficaz para pacientes con insuficiencia cardiaca avanzada. Sin embargo, el rechazo mediado por anticuerpos (RMA) es uno de los principales problemas tras el TxC. Una de las vías implicadas en la fisiopatología del RMA es través de los receptores para el fragmento Fc de la IgG (FC γ R), que están implicados en la activación de las células efectoras de la inmunidad innata, presentación de antígenos, maduración de las células dendríticas y la regulación de las células B productoras de anticuerpos. Por lo tanto, el objetivo de este estudio fue analizar la asociación entre la presencia de variantes en los receptores de Fc y el RMA.

Métodos: Se analizaron, mediante secuenciación masiva, las variantes genéticas en 5 genes que codifican para la región Fc-gamma de los receptores de IgG (FCGR1A, FCGR2A, FCGR2B, FCGR3A y FCGR3B) en 46 receptores con TxC, 23 sin RMA (controles) y 23 con RMA, y en 28 donantes, 14 donantes de pacientes con RMA y 14 donantes de pacientes sin RMA.

Resultados: Se identificaron 3 polimorfismos (SNPs) [p.Gln63Trp y p.Pro215 en el gen FCGR2A y p.Leu102His/Arg en el gen FCGR3A], significativamente más frecuentes en el RMA. Además, el análisis de haplotipo de los 2 SNPs en el gen FCGR2A muestra una asociación significativa entre el haplotipo TGG y el RMA en pacientes con TxC.

Conclusiones: La presencia de polimorfismos en genes relacionados con FC γ R, pueden tener un importante papel en el desarrollo del RMA.