

Revista Española de Cardiología



5027-2. CORRELACIÓN DE LA MICROBIOTA INTESTINAL Y LOS PARÁMETROS NUTRICIONALES EN PACIENTES CON INSUFICIENCIA CARDIACA

Daniel García Fuertes¹, Aurora Luque Moreno¹, Elena Villanueva Fernández¹, José Carlos Fernández Camacho¹, Francisco José Castillo Bernal¹, Ana Cosmen Sánchez¹, Juan Gómez de Oña², Elías Cuesta Llavona², Claudio Hidalgo Cantabrana³ y Noelia Martínez Álvarez³

¹Hospital Santa Bárbara, Puertollano (Ciudad Real), ²Hospital Universitario Central de Asturias, Oviedo (Asturias) y ³Microviable Therapeutics SL, Gijón (Asturias).

Resumen

Introducción y objetivos: La desnutrición, valorada mediante parámetros como la albúmina o la prealbúmina, ha demostrado ser un factor pronóstico adverso en pacientes con insuficiencia cardiaca (IC). Nuestro objetivo fue evaluar la correlación de los componentes del microbioma intestinal con los niveles de albúmina y prealbúmina.

Métodos: Se incluyeron pacientes con IC que habían presentado un ingreso previo o presentaban cifras marcadamente elevadas de NTproBNP. Se realizó análisis de la microbiota intestinal mediante secuenciación metagenómica basada en RNA 16s ribosomal. Se analizó la correlación de las unidades taxonómicas a nivel de *Phylum*, familia y género con los niveles de albúmina y prealbúmina. Se consideraron únicamente aquellas unidades taxonómicas con una abundancia relativa media mayor del 0,1%.

Resultados: Se incluyeron 49 pacientes (edad media 69 ± 10.8 años; 63% varones, 59% FEVI 40%). A nivel de *phylum* no se encontraron correlaciones significativas. Las familias *Prevotellaceae* y *Veillonellaceae* mostraron una correlación directa con los niveles de prealbúmina (R = 0.332; p = 0.021 y R = 0.355; p = 0.013), mientras que la familia *Bifidobacteriaceae* mostró una correlación directa tanto con los niveles de albúmina (R = 0.386; p = 0.006) como prealbúmina (R = 0.300, p = 0.038). *Tannerellaceae* mostró una relación inversa tanto con los niveles de albúmina (R = -0.348; p = 0.014) como de prealbúmina (R = -0.342; p = 0.017). A nivel de género, *Roseburia* (R = 0.291; p = 0.042), grupo *Eubacterium eligens* (R = 0.341; p = 0.017), *Anaerostipes* (R = 0.295; p = 0.040) y *Dorea* (R = 0.291; p = 0.038) mostraron una correlación positiva con los niveles de albúmina y Dialister con los de prealbúmina (R = 0.374, P = 0.009). *Bifidobacterium* mostró correlación directa tanto con niveles de albúmina (R = 0.384; P = 0.007) como prealbúmina (R = 0.296; P = 0.041). Por el contrario, el *genus parabacteroides* mostró una correlación inversa tanto con la albúmina (R = -0.327, P = 0.022) como prealbúmina (R = -0.328; P = 0.023).

Conclusiones: En nuestra serie la presencia de una mayor abundancia relativa de distintos *componentes* del microbioma intestinal a los que se le atribuyen efectos beneficiosos como bifidobacterium, *dialister* o la familia *Prevotellaceae*, y géneros productores de butirato como *Roseburia*, *Dorea* o *Eubacterium*, se relacionó con mayores niveles de albúmina y prealbúmina.